Example Diagnostics Center
Molekylär diagnostik
Exempeladress 1
000-000000
demo@example.org

EXAMPLE CENTER

PROVINFORMATION

Patientnamn	<PATIENT_NAME>	Personnummer	<PERSONAL_IDENTITY_NUMBER>	Prov-ID	SYNTHETIC-001
Provtyp	<SAMPLE_TYPE>	Registreringsdatum	<REGISTRATION_DATE>	Frågeställning	Syntetisk analys
Analysmetod	NGS - syntetisk demonstration	Analys genomförd av	Example Diagnostics Center	Rapporttyp	Positiv
Submission	submission_demo	Rapportdatum	2026-01-01	Skapad av	Demo User
Rapport-ID	DEMO-REPORT-001				

ANALYSRAPPORT

IGHV-mutationsanalys

SYNTHETIC-001

Analysresultat

Sekvens-ID	Sekvenslängd	V-gen identitet	IGHV-mutationsstatus	CLL subset
Seq1	321	97.5% (313/321) [97.2% (312/321)]	Borderline (granskad)	#2

EXAMPLE
ACCREDITATION
PLACEHOLDER

Example Diagnostics Center
Molekylär diagnostik
Exempeladress 1
000-000000
demo@example.org

EXAMPLE CENTER

PROVINFORMATION

Patientnamn	<PATIENT_NAME>	Personnummer	<PERSONAL_IDENTITY_NUMBER>	Prov-ID	SYNTHETIC-001
Provtyp	<SAMPLE_TYPE>	Registreringsdatum	<REGISTRATION_DATE>	Frågeställning	Syntetisk analys
Analysmetod	NGS - syntetisk demonstration	Analys genomförd av	Example Diagnostics Center	Rapporttyp	Positiv
Submission	submission_demo	Rapportdatum	2026-01-01	Skapad av	Demo User
Rapport-ID	DEMO-REPORT-001				

Slutsats

Exempel på granskad slutsats. Endast för demonstration.

Prov	Status
SYNTHETIC-001	Granskad

EXAMPLE
ACCREDITATION
PLACEHOLDER

Example Diagnostics Center
Molekylär diagnostik
Exempeladress 1
000-000000
demo@example.org
EXAMPLE CENTER

PROVINFORMATION

Patientnamn	<PATIENT_NAME>	Personnummer	<PERSONAL_IDENTITY_NUMBER>	Prov-ID	SYNTHETIC-001
Provtyp	<SAMPLE_TYPE>	Registreringsdatum	<REGISTRATION_DATE>	Frågeställning	Syntetisk analys
Analysmetod	NGS - syntetisk demonstration	Analys genomförd av	Example Diagnostics Center	Rapporttyp	Positiv
Submission	submission_demo	Rapportdatum	2026-01-01	Skapad av	Demo User
Rapport-ID	DEMO-REPORT-001				

Detaljerade analysresultat

Seq1 - 321 nt (Borderline (granskad))				
Seq ID	Seq1	CLL subset	#2	**Sekvensanalyskategori:** En produktiv rearrangering (syntetisk)
Indel summary	Syntetisk beskrivning av insertion/deletion.			
V-Domain functionality after removal of Indels		Produktiv		
Kommentar	Granskat syntetiskt resultat.			
V-GENE and allele	IGHV3-21*01	**Score:** 1500	**Identity:** 97.5% (313/321) [97.2% (312/321)]	
J-GENE and allele	IGHJ6*02	**Score:** 230	**Identity:** 100.0% (60/60)	
D-GENE and allele by IMGT/JunctionAnalysis			IGHD3-3*01	**D-REGION reading frame:** 2
FR-IMGT lengths, CDR-IMGT lengths and AA JUNCTION		[25.17.38.11]	[8.8.14]	SYNTHETIC
JUNCTION length (in nt) and decryption		42 nt = DEMO-V {N1} DEMO-D {N2} DEMO-J		(3'V)3'{N1}5'(D)3'{N2} 5'(5'J)
Merge count	1200	Totala läsningar	0.0%	

Analysbeskrivning

Metod

Syntetisk analysbeskrivning.

Omfattning

Demonstration av rapportens innehåll och layout.

Referenser

1. Demonstrationsreferens.